

いわて東北メディカル・メガバンク機構

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
清水 厚志	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命教授	博士（理学）	人類遺伝学 基礎ゲノム科学 分子生物学	<p>Furukawa R., Hachiya T., Ohmomo H., Shiwa Y., Ono K., Suzuki S., Satoh M., Hitomi J., Sobue K. and Shimizu A.: Intraindividual dynamics of transcriptome and genome-wide stability of DNA methylation. <i>Sci. Rep.</i> 6, 26424; doi: 10.1038/srep26424 (2016).</p> <p>Narumi S., Amano N., Ishii T., Katsumata N., Muroya K., Adachi M., Toyoshima K., Tanaka Y., Fukuzawa R., Miyako K., Kinjo S., Ohga S., Ihara K., Inoue H., Kinjo T., Hara T., Kohno M., Yamada S., Urano H., Kitagawa K., Tsugawa K., Higa A., Miyawaki M., Okutani T., Kizaki Z., Hamada H., Kihara M., Shiga K., Yamaguchi T., Kenmochi M., Kitajima H., Fukami M., Shimizu A., Kudoh J., Shibata S., Okano H., Miyake N., Matsumoto N., Hasegawa T.: SAMD9 mutations cause a novel multisystem disorder, MIRAGE syndrome, and are associated with loss of chromosome 7. <i>Nature Genet.</i> doi:10.1038/ng.3569 (2016).</p> <p>Shiwa Y., Hachiya T., Furukawa R., Ohmomo H., Ono K., Kudo H., Hata J., Hozawa A., Iwasaki M., Matsuda K., Minegishi N., Satoh M., Tanno K., Yamaji T., Wakai K., Hitomi J., Kiyohara Y., Kubo M., Tanaka H., Tsugane S., Yamamoto M., Sobue K., Shimizu A.: Adjustment of cell-type composition minimizes systematic bias in blood DNA methylation profiles derived by DNA collection protocols. <i>PLoS ONE</i>, 11, e0147519.</p> <p>Ohmomo H., Hachiya T., Shiwa Y., Furukawa R., Ono K., Ito S., Ishida Y., Satoh M., Hitomi J., Sobue K., Shimizu A. Reduction of systematic bias in transcriptome data from human peripheral blood mononuclear cells for transportation and biobanking. <i>PLoS ONE</i>. 2014; 9:e104283</p> <p>清水厚志, 坊農秀雅監修. 細胞工学別冊 次世代シークエンサーDRY解析教本. 東京: 秀潤社. (2015)</p>
八谷 剛史	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命准教授	博士（理学）	生体生命情報学 統計科学 応用ゲノム科学	<p>Furukawa R., Hachiya T., Ohmomo H., Shiwa Y., Ono K., Suzuki S., Satoh M., Hitomi J., Sobue K., Shimizu A. Intraindividual dynamics of transcriptome and genome-wide stability of DNA methylation. <i>Sci. Rep.</i> 6:26424 (2016).</p> <p>Miyawaki S., Kawamura Y., Oiwa Y., Shimizu A., Hachiya T., Bono H., Koya I., Okada Y., Kimura T., Tsuchiya Y., Suzuki S., Onishi N., Kuzumaki N., Matsuzaki Y., Narita M., Ikeda E., Okanoya K., Seino K., Saya H., Okano H., Miura K. Tumour resistance in induced pluripotent stem cells derived from naked mole-rats. <i>Nat Commun.</i> 7:11471 (2016).</p> <p>Shiwa Y., Hachiya T., Furukawa R., Ohmomo H., Ono K., Kudo H., Hata J., Hozawa A., Iwasaki M., Matsuda K., Minegishi N., Satoh M., Tanno K., Yamaji T., Wakai K., Hitomi J., Kiyohara Y., Kubo M., Tanaka H., Tsugane S., Yamamoto M., Sobue K., Shimizu A. Adjustment of cell-type composition minimizes systematic bias in blood DNA methylation profiles derived by DNA collection protocols. <i>PLoS One</i>. 11:e0147519 (2016).</p> <p>Sato KA, Hachiya T, Iwaya T, Kume K, Matsuo T, Kawasaki K, Abiko Y, Akasaka R, Matsumoto T, Otsuka K, Nishizuka SS. Individualized Mutation Detection in Circulating Tumor DNA for Monitoring Colorectal Tumor Burden Using a Cancer-Associated Gene Sequencing Panel. <i>PLoS One</i>. 11:e0146275 (2016).</p> <p>Namiki T*, Hachiya T*, Tanaka H, Sakakibara Y. MetaVelvet: an extension of Velvet assembler to de novo metagenome assembly from short sequence reads. / <i>Nucleic Acids Res.</i> 40(20):e155 (2012) *Equally contributed</p>

## いわて東北メディカル・メガバンク機構

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
志波 優	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命講師	博士 (バイオサイエンス)	ゲノム生物学 分子生物学 応用微生物学	<p><u>Shiwa Y</u>, Hachiya T, Furukawa, R, Ohmomo, H, Ono, K, Kudo H, Hata J, Hozawa A, Iwasaki M, Matsuda K, Minegishi N, Satoh M, Tanno K, Yamaji T, Wakai K, Hitomi J, Kiyohara Y, Kubo M, Tanaka H, Tsugane S, Yamamoto M, Sobue K, Shimizu A. Adjustment of cell-type composition minimizes systematic bias in blood DNA methylation profiles derived by DNA collection protocols. / PLoS ONE. 11:e0147519 (2016)</p> <p><u>Shiwa Y</u>, Yoshikawa H, Tanaka T, Ogura M. <i>Bacillus subtilis</i> degSU operon is regulated by the ClpXP-Spx regulated proteolysis system. / J Biochem. 157:321–30 (2015)</p> <p>Ohmomo H, Hachiya T, <u>Shiwa Y</u>, Furukawa R, Ono K, Ito S, Ishida Y, Satoh M, Hitomi J, Sobue K, Shimizu A. Reduction of systematic bias in transcriptome data from human peripheral blood mononuclear cells for transportation and biobanking / PLoS ONE 9:e104283(2014)</p> <p><u>Shiwa Y</u>, Yanase H, Hirose Y, Satomi S, Araya-Kojima T, Watanabe S, Zendo T, Chibazakura T, Shimizu-Kadota M, Yoshikawa H, Sonomoto K. Complete Genome Sequence of <i>Enterococcus mundtii</i> QU 25, an Efficient L-(+)-Lactic Acid-Producing Bacterium / DNA Res. Aug;21(4):369–77 (2014)</p> <p><u>Shiwa Y</u>, Matsumoto T, Yoshikawa H. Identification of laboratory-specific variations of <i>Bacillus subtilis</i> strains used in Japan. / Biosci Biotechnol Biochem. 77:2073–6 (2013)</p>
大桃 秀樹	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命助教	博士 (神経科学)	神経科学一般 解剖学一般（含組織学・発生学） 神経解剖学	<p>Furukawa R, Hachiya T, <u>Ohmomo H</u>, Shiwa Y, Ono K, Suzuki S, Satoh M, Hitomi J, Sobue K. and Shimizu A.: Intraindividual dynamics of transcriptome and genome-wide stability of DNA methylation / Sci. Rep. 6:26424; doi: 10.1038/srep26424 (2016).</p> <p><u>Shiwa Y</u>, Hachiya T, Furukawa R, <u>Ohmomo H</u>, Ono K, Kudo H, Hata J, Hozawa A, Iwasaki M, Matsuda K, Minegishi N, Satoh M, Tanno K, Yamaji T, Wakai K, Hitomi J, Kiyohara Y, Kubo M, Tanaka H, Tsugane S, Yamamoto M, Sobue K, Shimizu A. Adjustment of cell-type composition minimizes systematic bias in blood DNA methylation profiles derived by DNA collection protocols. / PLoS ONE. 11:e0147519 (2016).</p> <p>Sugimoto K, <u>Ohmomo H</u>, Shutoh F, Nogami H, Hisano S. Presentation of noise during acute restraint stress attenuates expression of immediate early genes and arginine vasopressin in the hypothalamic paraventricular nucleus but not corticosterone secretion in rats / Neurosci. Res. 96:20–29 (2015).</p> <p><u>Ohmomo H</u>, Hachiya T, Shiwa Y, Furukawa R, Ono K, Ito S, Ishida Y, Satoh M, Hitomi J, Sobue K, Shimizu A. Reduction of systematic bias in transcriptome data from human peripheral blood mononuclear cells for transportation and biobanking / PLoS ONE 9:e104283 (2014).</p> <p>Masuda T, Sakuma C, Ueno T, Yamada Y, <u>Ohmomo H</u>, Ueda S, Yamagishi T, Yaginuma H. Spatiotemporal Patterns of the Huntington-Interacting Protein 1-Related (Hip1r) Gene in the Mouse Head / Congenit. Anom. 53:141–148 (2013).</p>

## いわて東北メディカル・メガバンク機構

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
古川 亮平	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命助教	博士（理学）	細胞生物学 発生生物学 免疫学	<p><u>Furukawa R.</u>, Hachiya T., Ohmomo H., Shiwa Y., Ono K., Suzuki S., Satoh M., Hitomi J., Sobue K., Shimizu A.: Intraindividual dynamics of transcriptome and genome-wide stability of DNA methylation. <i>Sci. Rep.</i> 6, 26424; doi: 10.1038/srep26424 (2016).</p> <p><u>Furukawa R.</u>, Tamaki K., Kaneko H.: Two macrophage migration inhibitory factors regulate starfish larval immune cells chemotaxis. <i>Immunol Cell Biol.</i> 94, 315–321 (2016).</p> <p>Shiwa Y., Hachiya T., <u>Furukawa R.</u>, Ohmomo H., Ono K., Kudo H., Hata J., Hozawa A., Iwasaki M., Matsuda K., Minegishi N., Satoh M., Tanno K., Yamaji T., Wakai K., Hitomi J., Kiyohara Y., Kubo M., Tanaka H., Tsugane S., Yamamoto M., Sobue K., Shimizu A.: Adjustment of cell-type composition minimizes systematic bias in blood DNA methylation profiles derived by DNA collection protocols. <i>PLoS ONE</i>, 11, e0147519 (2016).</p> <p>Ohmomo H., Hachiya T., Shiwa Y., <u>Furukawa R.</u>, Ono K., Ito S., Ishida Y., Satoh M., Hitomi J., Sobue K., Shimizu A. Reduction of systematic bias in transcriptome data from human peripheral blood mononuclear cells for transportation and biobanking / <i>PLoS ONE</i> 9:e104283(2014).</p> <p>Furukawa R., Funabashi H., Matsumoto M., Kaneko H.: Starfish ApDOCK protein essentially functions in larval defense system operated by mesenchyme cells. <i>Immunol Cell Biol.</i> 90, 955–965 (2012).</p>
大崎 拓也	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命助教			

## いわて東北メディカル・メガバンク機構

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
高梨 信之	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命助教	修士（看護学）	リハビリテーション科学・福祉工学 疫学・予防医学	<p>高梨信之, 清水陽平 : 高齢者支援の視点からみる、岩手 陸前高田の現実と未来, 作業療法ジャーナル Vol. 47, No. 12, 2013</p> <p>高梨信之, 千葉愛実 : 陸前高田リハシステムの構築に向けて, 作業療法ジャーナル Vol. 49, No. 12, 2015</p> <p>高梨信之 : 重度障害者用意思伝達装置操作評価支援活動報告－支援事業実績報告と使用状況調査－, 作業療法いわて, 1, 2010.</p>
沼田 早苗	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命助教	博士（医学）	臨床遺伝学 臨床検査学 分子生物学	<p><u>Numata S</u>, Teye K, Tsuruta D, Sogame R, Ishii N, Koga H, Natsuaki Y, Tsuchisaka A, Hamada T, Karashima T, Nakama T, Furumura M, Ohata C, Kawakami T, Schepens I, Borradori L, Hashimoto T. Anti-<math>\alpha</math>-2-macroglobulin-like-1 autoantibodies are detected frequently and may be pathogenic in paraneoplastic pemphigus. <i>J Invest Dermatol</i>. 2013 Jul;133(7):1785–93. 15.</p> <p><u>Numata S</u>, Hamada T, Teye K, Matsuda M, Ishii N, Karashima T, Kabashima K, Furumura M, Ohata C, Hashimoto T: Complete maternal isodisomy of chromosome 5 in a Japanese patient with netherton syndrome. <i>J Invest Dermatol</i> 2014 Mar;134(3):849–52. 21. 18.</p> <p>Teye K, Hamada T, Krol RP, <u>Numata S</u>, Ishii N, Matsuda M, Ohata C, Furumura M, Hashimoto T. Homozygous deletion of six genes including corneodesmosin on chromosome 6p21.3 is associated with generalized peeling skin disease. <i>J Dermatol Sci</i>. 2014 Jul;75(1):36–42</p> <p><u>Numata S</u>, Teye K, Krol RP, Karashima T, Fukuda S, Matsuda M, Ishii N, Furumura M, Ohata C, Saminathan SD, Ariffin R, Pramono ZA, Leong KF, Hamada T, Hashimoto T. Mutation study for 9 genes in 23 unrelated patients with autosomal recessive congenital ichthyosis in Japan and Malaysia. <i>J Dermatol Sci</i>. 2015 Apr;78(1):82–5. 26.</p> <p>Tsuchisaka A, <u>Numata S</u>, Teye K, Natsuaki Y, Kawakami T, Takeda Y, Wang W, Ishikawa K, Goto M, Koga H, Sogame R, Ishii N, Takamori S, Hoshino T, Brandt O, Pas HH, Fujiwara S, Hashimoto T. Epiplakin is a Paraneoplastic Pemphigus Autoantigen and Related to Bronchiolitis Obliterans in Japanese Patients. <i>J Invest Dermatol</i>. 2016 Feb;136(2):399–408.</p>